Streszczenie

Analiza markerów mikrosatelitarnych jest najbardziej rozpowszechnioną metodą genetycznej identyfikacji osób. W niniejszej pracy poddano ocenie przydatność polimorfizmu sekwencji flankujących tych markerów w badaniach genetycznych dla celów sądowych. Materiał biologiczny pobrany od 308 niespokrewnionych osób pochodzących z populacji polskiej przeanalizowano w zakresie 27 autosomalnych markerów STR (ang. *Short Tandem Repeats*). Badania wykonano z wykorzystaniem technologii NGS (ang. *Next Generation Sequencing*) przy użyciu zestawu Illumina ForenSeq DNA Signature Prep Kit oraz platformy do sekwencjonowania DNA MiSeq FGx. Przeanalizowano w jaki sposób zaobserwowane polimorfizmy wpływają na popularne parametry biostatystyczne analizowanych markerów STR. Oszacowano także częstości występowania polimorfizmów regionów flankujących w populacji polskiej oraz dokonano porównań tych wyników z danymi dostępnymi dla innych populacji.